

# SEQUENCE LISTING

<110> Cawthon, Richard  
 <120> METHODS OF PREDICTING MORTALITY RISK BY DETERMINING TELOMERE LENGTH  
 <130> A-71933  
 <140> US 10/543,111  
 <141> 2005-07-22  
 <150> PCT/US 2004/002215  
 <151> 2004-01-26  
 <150> US 60/442,456  
 <151> 2003-01-24  
 <160> 10  
 <170> PatentIn version 3.3  
 <210> 1  
 <211> 37  
 <212> DNA  
 <213> Artificial  
 <220>  
 <223> Synthetic  
 <400> 1  
 ggttttttgag ggtgaggggtg aggggtgaggg tgaggggt 37  
 <210> 2  
 <211> 39  
 <212> DNA  
 <213> Artificial  
 <220>  
 <223> Synthetic  
 <400> 2  
 tcccgactat ccctatccct atccctatcc ctatcccta 39  
 <210> 3  
 <211> 90  
 <212> DNA  
 <213> Homo sapiens  
 <400> 3  
 ccctaaccct aaccctaacc ctaaccctaa ccctaaccct aaccctaacc ctaaccctaa 60  
 ccctaaccct aaccctaacc ctaaccctaa 90  
 <210> 4  
 <211> 90  
 <212> DNA  
 <213> Homo sapiens

<400> 4  
 ttagggtttag ggtaggggtt agggttaggg ttagggtttag ggtaggggtt agggttaggg 60  
 ttagggtttag ggtaggggtt agggttaggg 90

<210> 5  
 <211> 6  
 <212> DNA  
 <213> Homo sapiens

<400> 5  
 ttaggg 6

<210> 6  
 <211> 39  
 <212> DNA  
 <213> Artificial

<220>  
 <223> Synthetic

<400> 6  
 cggtttgttt gggtttgggt ttgggtttgg gtttgggtt 39

<210> 7  
 <211> 39  
 <212> DNA  
 <213> Artificial

<220>  
 <223> Synthetic

<400> 7  
 ggcttgcctt acccttacct ttacccttac ccttaccct 39

<210> 8  
 <211> 23  
 <212> DNA  
 <213> Artificial

<220>  
 <223> Synthetic

<400> 8  
 cagcaagtgg gaaggtgtaa tcc 23

<210> 9  
 <211> 25  
 <212> DNA  
 <213> Artificial

<220>  
 <223> Synthetic

<400> 9

cccattctat catcaacggg tacaa

25

<210> 10

<211> 42

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> Synthetic

<400> 10

ttagggtag ggtaggggtt agggtaggg ttagggtag gg

42